

C.elegans					
Donor Splice Sites			Acceptor Splice Sites		
pos	oligomer	contribution	pos	oligomer	contribution
5	G	81.74	-5	T	63.94
2	T	42.91	-6	T	44.69
2	C	-42.91	-3	G	-33.44
0	G	40.48	-5	G	-31.59
3	A	35.83	-3	C	28.81
5	C	-32.45	-5	A	-26.06
5	GT	83.59	-6	TT	75.13
4	AG	69.62	-5	TT	59.89
2	TA	59.49	-3	GA	-37.54
-3	GT	-52.46	-7	TT	35.76
1	GT	48.17	-3	CA	32.34
1	GC	-48.17	-4	AG	-24.65
0	GGT	58.18	-3	GAG	-35.24
1	GTA	57.94	-7	ATT	31.66
4	AGT	57.88	-3	CAG	30.37
5	GTT	45.66	-7	TTT	29.77
-1	AGG	41.41	-6	TTG	28.41
-3	GTA	-37.66	-5	TTC	28.19
0	GGTA	44.15	-4	AGAG	-23.62
-1	AGGT	39.86	-6	TTGC	23.27
2	TGAG	35.32	-46	GTAA	22.66
1	GTAA	34.27	-5	TTCA	22.28
3	GAGT	28.95	-46	GGTA	21.87
2	TAAG	27.56	-47	GGTA	20.66
1	GTGAG	33.63	-6	TTGCA	22.08
42	TTCAG	27.44	-45	GTAAG	21.20
2	TGAGT	27.23	-5	TTCAG	20.74
1	GTAAG	26.29	-46	GTAAG	20.22
43	TTCAG	26.07	-44	GTAAG	19.77
41	TTCAG	25.17	-6	TTCCA	19.57
1	GTGAGT	25.67	-6	TTGCAG	20.43
42	TTTCAG	23.28	-6	TTCCAG	18.11
44	TTTCAG	23.23	-6	TTACAG	17.76
41	TTTCAG	20.84	-6	TTTCAG	16.23
40	TTTCAG	19.72	-45	GTAAGT	13.03
43	TTTCAG	19.62	-46	GTGAGT	11.80
0	GGTAAGT	-13.55	-6	TTTCAGT	13.04
0	GGTTTGT	13.15	-6	TTTCAGC	12.50
-1	AGGTAAG	-12.87	-7	TTTCCAG	10.78
0	AGTGAGT	12.21	-6	TTCCAGA	9.18
0	CGTAAGT	12.11	-7	ATTACAG	8.88
1	GTGAGTT	12.00	-6	TTACAGC	8.85
-1	AGGTAAGT	-10.59	-6	TTTCAGGT	-10.17
0	GGTAAGTT	-9.69	-7	TTTCCAGC	7.06
-1	AGGTGAAT	7.77	-7	TTTTTCAGT	6.54
-1	AGGTATGT	-7.50	-6	TTTCAGAT	-6.40
-2	CAGGTAAG	-7.24	-7	TTTACAGC	6.27
0	GTTTGTT	7.17	-7	TTTTTCAGC	5.89